

## Proposition de compte-rendu standardisé anatomopathologique et moléculaire

### Contingent cellulaire d'intérêt pronostique

Chordoïde	<input type="checkbox"/> majoritaire	<input type="checkbox"/> focal	%	<input type="checkbox"/> non
Cellules claires	<input type="checkbox"/> majoritaire	<input type="checkbox"/> focal	%	<input type="checkbox"/> non
Rhabdoïde	<input type="checkbox"/> majoritaire	<input type="checkbox"/> focal	%	<input type="checkbox"/> non
Papillaire	<input type="checkbox"/> majoritaire	<input type="checkbox"/> focal	%	<input type="checkbox"/> non

### Critères histopronostiques

**Nombre de mitoses pour 1,6 mm<sup>2</sup>** dans les champs les plus mitotiques : / 1,6 mm<sup>2</sup>  
**Infiltration du parenchyme cérébral**  oui  non  non applicable

Hypercellularité	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non
Nécrose tumorale (hors embolisation)	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non
Petites cellules avec rapport N/C élevé	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non
Nucléoles proéminents	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non
Perte de l'architecture tumorale	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non

Infiltration dure-mère	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non applicable
Infiltration osseuse	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non applicable

Aspect de franche anaplasie (pseudo -carcinome, -sarcome, ou -mélanome)  oui  non

### Données immunohistochimiques

<b>Ki-67 (MIB-1) :</b>	%			
SSTR2	<input type="checkbox"/> positif	<input type="checkbox"/> négatif	<input type="checkbox"/> non testé	
EMA	<input type="checkbox"/> positif	<input type="checkbox"/> négatif	<input type="checkbox"/> non testé	
Récepteurs à la progestérone	<input type="checkbox"/> positif ( %)	<input type="checkbox"/> négatif	<input type="checkbox"/> non testé	
BAP1 <input type="checkbox"/> perdu	<input type="checkbox"/> maintenu		<input type="checkbox"/> non testé	
SMARCE1 <input type="checkbox"/> perdu	<input type="checkbox"/> maintenu		<input type="checkbox"/> non testé	
H3K27me3 <input type="checkbox"/> perdu	<input type="checkbox"/> maintenu		<input type="checkbox"/> non testé	

### Données moléculaires

Délétion(s) :	<input type="checkbox"/> 1p <input type="checkbox"/> 5 <input type="checkbox"/> 10 <input type="checkbox"/> 22q		<input type="checkbox"/> non testé
Mutation / délétion de <i>NF2</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation / délétion de <i>CDKN2A</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation activatrice d' <i>AKT1</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation activatrice de <i>SMO</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation activatrice de <i>PI3KCA</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation / délétion de <i>BAP-1</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation / délétion de <i>SMARCE1</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Mutation du promoteur de <i>TERT</i> :	<input type="checkbox"/> oui	<input type="checkbox"/> non	<input type="checkbox"/> non testé
Classe de méthylation :	<input type="checkbox"/> favorable	<input type="checkbox"/> défavorable	<input type="checkbox"/> non testé

Diagnostic et grade OMS

**Méningiome :**  Grade II :  Atypique (sans autre indication)  Chordoïde  A cellules claires

Grade III :  Anaplasique  $\geq 20$  mitoses /  $1,6 \text{ mm}^2$

Anaplasique  $< 20$  mitoses /  $1,6 \text{ mm}^2$

Papillaire

Aspect rhabdoïde majoritaire (appliquer les autres critères du grade)

Code SNOMED :

Code ADICAP :

Demande avis RENOCLIP :  2<sup>ème</sup> lecture (régional)  3<sup>ème</sup> lecture (national)  non